



Institut de Pathologie et
de Génétique ASBL
Biologie moléculaire et cellulaire
Avenue Georges Lemaître, 25
B-6041 Gosselies
Tél. : +32 (0)71 44 71 11
Fax : +32 (0)71 34 78 07
secbm@ipg.be www.ipg.be

DEMANDE D'ANALYSE – Oncologie - biomarqueur somatique

N° de réception IPG
+ code-barre

N° d'analyse IPG
+ code-barre

IDENTIFICATION DU PATIENT

Nom : Prénom :

NISS : Date de naissance : / / Sexe : M F

ou Vignette mutuelle ou Etiquette de l'hôpital avec NISS. Attention : Pour l'identification sans risque d'erreur des patients belges, le n° NISS est obligatoire. Pour les patients non-belges (sans NISS), merci de bien vouloir mentionner leur adresse postale ci-dessous :

IDENTIFICATION DU MÉDECIN PRESCRIPTEUR

Cachet du médecin prescripteur avec n° INAMI

Hôpital / Institution :

Date de la prescription : / /

Nom, prénom de l'oncologue (OBLIGATOIRE) :

Nom, prénom du médecin en copie :

N° INAMI du médecin en copie :

Résultat urgent : N° de téléphone si urgence :

Signature :

Merci de ne pas signer sur votre n° INAMI.

INFORMATIONS RELATIVES AU PRELEVEMENT

Lieu de prélèvement :

Nom et prénom du préleveur (si différent du médecin prescripteur) :

Date et heure du prélèvement : / / à h

Date et heure de fixation : / / à h

Type de prélèvement : Tissue solide fixé en formol Ponction (fixé en formol) Sang (2 tubes Streck de 10 ml)
 Autre

Référence du laboratoire externe (si le patient est diagnostiqué ou suivi hors IPG) :

Référence externe du prélèvement :

Durée de fixation : < 6 heures 6-72 heures > 72 heures inconnue

Fixateur : Formol 10% pH neutre Autre inconnu

Nombres des lames blanches envoyées : Nombres des blocs envoyés :

Pourcentage estimé de cellules tumorales : < 5% 5-10% 11-30% 31-60% >60% (min. 30% pour Test HRD)

Nombre d'analyses IHC tarifées au laboratoire demandeur :

Nombre de blocs de paraffine ou de lames blanches envoyées : Date de coupe (si lames) :

RENSEIGNEMENTS CLINIQUES

Histologie :

Diagnostic Rechute/Progression Suivi Etude (nom :))

Origine du prélèvement : Tumeur primaire Métastase (localisation :) Inconnue

Renseignements tumorales/cliniques utiles (IHC/altération génomique connue/thérapie ciblée antérieure) :

Pan tumeurs :

- Perte d'expression de protéine de réparation d'ADN mésapparié (Mismatch repair/MMR) par IHC (MSH2, MSH6, MLH1, PMS2)
- Instabilité de microsatellites* (MSI) par PCR (+ Méthylation *MLH1** si MSI High avec perte d'expression de MLH1).
- Expression de pan-TRK par IHC (+ Panel Fusion si IHC positif)
- Expression de HER2 par IHC
- Amplification de *ERBB2*/HER2 par FISH
- NGS sur ADN* (22 gènes) dont *BRAF*, *KRAS*, *EGFR*, *KIT*, *GNAS*

Cancer pulmonaire non-à petites cellules – Diagnostic (sur tumeur solide) :

- Recherche d'altération génomique
 - NGS sur ADN* (22 gènes) dont *EGFR*, *KRAS*, *ERBB2*/HER2, *BRAF* + variant MET14
 - Remboursé dans ADC et ca. épidermoïde avec pas/peu tabagisme (<15 paquet-années de tabagisme)
 - NGS sur ARN* (16 gènes) : Fusion impliquant les gènes ALK, ROS1, NTRK1/2/3, RET
 - Remboursé et réalisé systématiquement si pas de driver actionnable au test sur ADN
- Expression de PD-L1 par IHC : score TPS (clone 22C3)
- Expression de pan-TRK par IHC (+ Panel Fusion si IHC positif)
- Expression de ALK par IHC
- Expression de ROS par IHC
- Fusion de ALK par FISH
- Fusion de ROS1 par FISH

Cancer pulmonaire non-à petites cellules en progression (sur sang) :

- NGS sur ADN* ciblant les exons 18 à 21 du gène *EGFR*
- EGFR* p.T790M*

Cancer colo-rectal :

- NGS sur ADN* (22 gènes) dont *KRAS*, *NRAS*, *BRAF*
- Perte d'expression de protéine de réparation d'ADN mésapparié (Mismatch repair/MMR) par IHC (MSH2, MSH6, MLH1, PMS2)
- Instabilité de microsatellites* (MSI) par PCR (+ Méthylation *MLH1** si MSI High avec perte d'expression de MLH1)
- Expression de pan-TRK par IHC
- Expression de HER2 par IHC
- Amplification de *ERBB2*/HER2 par FISH

Tumeur cérébrale :

- Recherche d'altération génomique
 - NGS sur ADN* (22 gènes) dont *IDH1*, *IDH2*, *BRAF*, promoteur *TERT*, *H3-3A*
 - NGS sur ARN* (16 gènes) : Fusion impliquant le gène *BRAF* pour un diagnostic de tumeur astrocytaire pilocytique
- Méthylation du promoteur de *MGMT* *
- Variant EGFRvIII *
- Recherche de co-délétion 1p/19q (FISH)

Tumeur suspectée d'être un GIST :

- NGS sur ADN* (22 gènes) dont *KIT*, *PDGFRA*

Kyste du pancréas avec suspicion de cancer pancréatique :

- NGS sur ADN* (22 gènes) dont *GNAS*



* = Analyses sous couvert de l'accréditation n°381-MED.

Abréviations : NGS : Next Generation Sequencing – IHC : immunohistochimie – PCR : polymerase chain reaction
– FISH : fluorescence *in situ* hybridization

Carcinome de la thyroïde :

- NGS sur ADN* (22 gènes) dont *BRAF, KRAS, HRAS, NRAS, TERT, TP53*

Sarcome :

- Recherche d'altération génomique

NGS sur ADN (7 gènes) composé des gènes *APC, CTNNB1, GNAS, IDH1, IDH2, MYOD1* et *PDGFRB*

NGS sur ARN (53 gènes) : Fusion de gènes dont *EWSR1, FUS, YAP1, SS18, TFG*

Carcinome du sein :

- Expression des récepteurs des œstrogènes (RE) par IHC
- Expression du récepteur de la progestérone (RP) par IHC
- Expression de HER2 par IHC
- Amplification de *ERBB2/HER2* par FISH
- Recherche d'altération génomique dans cancer mammaire métastatique RH-positif HER2-négatif

NGS sur ADN* (22 gènes) dont *ESR1, PIK3CA*

Carcinome de l'endomètre :

- NGS sur ADN* ciblant *POLE* et *TP53*
- Perte d'expression de protéine de réparation d'ADN mésapparié (Mismatch repair/MMR) par IHC (*MSH2, MSH6, MLH1, PMS2*)
- Instabilité de microsatellites* (MSI) par PCR (+ Méthylation *MLH1** si MSI High avec perte d'expression de *MLH1*)

Carcinome ovarien épithélial de haut grade non mucineux, carcinome des trompes de fallope ou carcinome péritonéal primaire :

- Test HRD (NGS sur ADN* ciblant *BRCA1* et *BRCA2* + Genomic instability score) – UNIQUEMENT si >30% de cellules tumorales

Tumeur mélanocytaire :

- NGS sur ADN* (22 gènes) dont *NRAS, BRAF, KIT, TERT*

Carcinome métastatique de la prostate, résistant à la castration :

- NGS sur ADN* ciblant *BRCA1* et *BRCA2*

Autres :

Veillez préciser l'analyse demandée (nom de la mutation, nom de la fusion, nom de l'étude clinique). Nous sélectionnerons l'analyse la plus adéquate à votre demande, et nous vous recontacterons pour les modalités de remboursement.

.....

.....

.....

.....

Analyses NGS :

Panel 16 gènes : *ALK, BRAF, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3*

Panel 22 gènes : *AKT1, ALK, BRAF, DDR2, EGFR, ERBB2, ESR1, FGFR1, GNAS, H3-3A, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, TERT, TP53*

Panel 53 gènes : *ALK, BCOR, BRAF, CAMTA1, CIC, CSF1, EGFR, EPC1, ERG, ESR1, EWSR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FOS, FOSB, FOXO1, FUS, GLI1, HMGA2, JAZF1, MDM2, MEAF6, MET, MGEA5, MKL2, MYOD1, NCOA1, NCOA2, NR4A3, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PAX3, PDGFB, PHF1, PLAG1, PRKCA, PRKCB, RAF1, RET, ROS1, SS18, STAT6, TAF15, TCF12, TFE3, TFG, USP6, VGLL2, YAP1, YWHAE*